



Approches biochimiques, biophysiques et structurales pour les protéines en Lorraine

Lundi 31 Mai 2021

8.50-9h	Accueil
9.00-9.20	Présentation des activités autour des protéines à IAM Arnaud Hecker – IAM
9.20-9.40	Du cristal aux propriétés électrostatiques des protéines
9.40-10h55	Claude Didierjean – CRM2 La co-expression comme outil pour décrypter les interactions entre protéines
9.55-10h10	Xavier Manival – IMoPA pCargho et pCarOne deux vecteurs d'expression procaryotes ayant des étiquettes lectiniques
10.10-10.30	Pascal Reboul – IMoPA Modélisation moléculaire : structure, dynamique et interactions Isaure Chauvot de Beauchêne – LORIA
10.30-10.50	Pause-café
10.50-11.10	Biochimie et Biophysique Théoriques au LPCT François Dehez, LPCT
11.10-11.30	Extraction, protéolyse, screening, séparation des protéines et leurs applications Laetitia Canabady-Rochelle, LRGP
11.30-11.50	Caractérisation moléculaire de la conjugaison bactérienne Badreddine Douzi et Nicolas Soler – DynAMic
11.50-12.20	·
12.20-14.00	Pause déjeuner
14.00-14.20	Aperçu des activités du LCPME autour des protéines Fabienne Quiles, LCPME
14.20-14.40	Présentation des activités autour des protéines à l'URAFPA Céline Cakir-Kiefer – URAFPA
14.40-15.10	Activités autour des proteines au LIEC Marie Lejean, Bénédicte Sohm, Audrey Beaussart – LIEC
15.10-15.30	Pause-café
15.30-16.00	L'Unité Mixte de Service IBSLor au service des protéines Sandrine Boschi-Muller – Plateforme B2S
16.00-16.20	Jean-Baptiste Vincourt – Plateforme protéomique Les outils de l'enzymologie moléculaire pour l'étude de protéines redox à cystéine Sophie Rahuel-Clermont – IMOPA
16.20-16.50	Caractérisation de protéines et peptides par spectrométrie de masse Cédric Paris – Plateforme PASM